

Информация о продукте

Набор ПЦР Plus (антиконтаминационный)Для исследовательских работ *in vitro***Набор реагентов для проведения амплификации ДНК**

Кат.№	Количество
PUK-50	50 реакций
PUK-100	100 реакций

Качество реактивов набора гарантируется на протяжении не менее 1 года, при хранении всех реактивов при температуре -20°C

ПЦР Набор состоит из высококачественных реактивов для ПЦР амплификации ДНК различной природы.

Описание:

Набор ПЦР Plus рекомендуется для проведения амплификации ДНК, выделенной из различных природных источников.

Набор ПЦР Plus применяется в условиях, когда возможна контаминация первичным ампликоном последующих амплификационных реакций и получение ложно-положительных результатов.

Набор содержит смесь dNTP следующего состава – dATP, dGTP, dCTP -2.5mM каждого и dUTP -7.5mM

Рекомендованная конечная концентрация MgCl₂-2.5-3.0mM.

10X Реакционный буфер оптимизирован для высокоспецифичной ПЦР с BioTaq ДНК полимеразой.

Набор ПЦР Plus набор **не рекомендуется** для применения в системах с автоматическим пипетированием, в которых требуется использование бездетергентного буфера.

50мкл ПЦР реакция		Конечные концентрации
0.5мкл	BioTaq полимеразы	2.5U
5мкл	10X Реакционный Буфер	1X
2.5мкл	50mM Раствор MgCl ₂	2.5mM
4мкл	Смесь dNTP's	200µM ,600 µM dU
Опционно*	Праймеры	
Опционно**	ДНК матрица	
До 50мкл	Стерильная вода	

* Праймеры – рекомендуемая концентрация 0.1-1мкМ

** - Объем ДНК матрицы зависит от метода выделения и ее концентрации в исходном образце.

1. **BioTaq** ДНК полимеразы
2. 10X Реакционный буфер
3. 50mM Раствор MgCl₂
4. dNTPs MIX Plus 2,5mM-dA, dC, dG; 7.5mM dU
5. Стерильная вода для ПЦР -5мл

Условия амплификации (стандартные)

Начальная денатурация	94°C	2-3мин.	1X
Денатурация	94°C	30 сек	
Отжиг*	45-68°C	30 сек.	30X
Элонгация**	72°C	30сек-3мин	
Финальная элонгация	72°C	2-10мин	1x

*-Температура отжига праймеров зависит от расчетной температуры их «плавления».

** -Время элонгации зависит от длины амплифицируемого фрагмента. Рекомендованное время 1мин/1кн.п.

Для получения оптимальных результатов необходимо проведение оптимизации условий для каждой новой пары «праймер-матрица».