

Информация о продукте

2,5X Mas^{HF}MIXGreen -1510Для исследовательских работ *in vitro***МастерМиксGREEN для Hi-Fi ПЦР**

Кат.№	Количество
MHFG-50	50 реакций
MHFG-100	100 реакций

Качество **МастерМикса** гарантируется на протяжении не менее 1 года, при его хранении при -20°C

МастерМиксGREEN содержит высококачественные реагенты для ПЦР амплификации ДНК различной природы.

Описание:

МастерМиксGREEN рекомендуется для проведения амплификации ДНК, выделенной из различных природных объектов.

МастерМиксGREEN смесь ПЦР реагентов, содержащая стабилизатор/энхансер, усиливающий термостабилизацию фермента при повышенных температурах, улучшающий специфичность и чувствительность ПЦР.

Основой **МастерМИКСа** является термостабильная химерная **HF-Fuzz полимераза**, обладающая высокой процессивностью, «точностью» амплификации и позволяющая амплифицировать низкокопийные ДНК матрицы, сложные последовательности ДНК, с содержанием GC-пар до 80%.

HF-Fuzz полимераза модифицирована путем внесения мутаций для повышения термоустойчивости фермента, а также резистентности к различным ингибиторам ПЦР (в частности компонентов крови).

Использование **МастерМикса** позволяет амплифицировать длинные последовательности ДНК - до 12Kb для геномной ДНК и до 20Kb для менее сложных ДНК последовательностей

Наличие у фермента «корректирующей» 3'→5' активности позволяет амплифицировать протяженные фрагменты ДНК с высокой точностью, для последующего клонирования, секвенирования.

В отличие от других ферментов на основе Pfu-полимеразы, **HF-Fuzz** полимераза позволяет проводить амплификацию с модифицированными трифосфатами (dUTP), что дает возможность использовать данный продукт в «анти-контаминационной» ПЦР в комбинации с пост-ПЦР обработкой UDG.

Высокая процессивность и термостабильность **HF-Fuzz** полимеразы позволяют значительно уменьшить время амплификации, сократив его практически в 2 раза (для проведения так называемой "fast-PCR" необходимо использование амплификаторов с большой скоростью нагрева/охлаждения образца при амплификации), с сохранением эффективности ПЦР и увеличением выхода ПЦР-продукта.

Отсутствие у **HF-Fuzz** полимеразы 5'→3' эзонуклеазной активности не позволяет использовать фермент с Taqman-пробами.

МастерМиксGREEN содержит 1,5мM MgCl₂

Для получения оптимальных результатов может потребоваться оптимизация концентрации Mg²⁺ в пределах 1,5 -3,5мM

Реакционная смесь, содержащая **МастерМиксGREEN**, после проведения амплификации может быть нанесена непосредственно на гель, без проведения дополнительных манипуляций (добавления соответствующего буфера), что значительно сокращает время и экономит расходные материалы.

Внимание!

Перед использованием необходимо выдержать **МастерМикс** при комнатной температуре (~15 мин.).

МастерМиксGREEN**1Х:****HF-Fuzz** полимераза

dA,dT,dC,dG -200μM каждого

Компоненты реакционного буфера

MgCl₂ – 1,5mM

Стабилизатор/энхансер

Краски для электрофореза (**Xylene****Cyanol + Orange G**Стерильная вода для ПЦР -5мл
(прозрачная крышка)

Протокол амплификации с HF-Fuzz ДНК полимеразой

ПЦР амплификация с использованием **HF-Fuzz** полимеразы очень похожа на условия использования **Phusion-HF** полимеразы (**ThermoFisher**), **Q5** полимеразы (**NEB**), **iProof** полимеразы (**BioRad**) т.е. HF-Fuzz полимераза лучше работает при повышенных температурах денатурации и отжига праймеров. Собирать ПЦР реакцию можно при комнатной температуре –т.к фермент обладает невысокой остаточной активностью при комнатной температуре.
Приготовьте мастермикс для соответствующего количества образцов, исходя из приведенных ниже пропорций.

Смешайте следующие компоненты :

Компонент	50µL реакция	25µL реакция	Конечные 1X концентрации
Вода для ПЦР (без ДНКаз)	до 50µL	до 25µL	
2.5x МастерМиксGREEN	20µL	10µL	1X
Праймеры ДНК матрица	опционально	опционально	0.3-0.5µM каждого > 10 нг

- 2,5Х Мастер Микс^{HF} содержит 1,5mM MgCl₂ (в конечной 1X концентрации). В некоторых случаях необходима оптимизация наиболее эффективной концентрации MgCl₂ в интервале 1,5-3,5mM.

Рекомендованный объем ПЦР реакции – 50 мкл.

Условия Амплификации

	2-х стадийный ПЦР		3-х стадийный ПЦР		Кол-во циклов
	T°С	время	T°С	время	
Начальная ¹⁾ денатурация	98°С	2-5 мин	98°С	2-5 мин	1
Денатурация	98°С	5-10 сек	98°С	5-10 сек	
Отжиг	-	-	55-72 ²⁾	10-30 сек	25-35
Элонгация	65-72°С ³⁾	15 сек/Кб	72°С	15-30 сек/Кб ²⁾	
Финальная элонгация	72°С 4°С	1-2 мин hold	72°С 4°С	1-2 мин hold	1

1)- При амплификации геномной ДНК, для начальной денатурации достаточно 2 мин. При использовании образца крови, в качестве ДНК матрицы рекомендованное время начальной денатурации -5 мин., для полного лизиса клеток крови.

Для **HF-Fuzz** полимеразы рекомендуется скорректировать температуру отжига в пределах +3-10°C, по сравнению с ПЦР условиями амплификации с использованием Таq полимераз или ферментов на основе **Taq** (смеси **Taq+Pfu**, **Taq+KlenTaq**, **KlenTaq+Pfu** и т.д.)

2)- Оптимальная температура T_m рекомендуется как наименьшая температура плавления одного из праймеров, для стандартных олигонуклеотидов <22 н.п.

- Для сравнительно не сложных ДНК матриц (плазмидная ДНК, фаговая ДНК, ВАС клоны) время элонгации может быть уменьшено до 15 сек/Кб.

Для геномной ДНК (человеческой) рекомендуется элонгация не менее 30 сек на 1 Kb, при амплификации ДНК фрагментов превышающих 2Kb. Для фрагментов ДНК длиной менее 1,5Kb. элонгацию можно ограничить 15 сек/Kb.

НЕ РЕКОМЕНДУЕТСЯ превышать указанное время элонгирования во избежание образования неспецифических продуктов и уменьшения выхода целевого продукта.

3)- Для проведения двух-стадийной ПЦР, рекомендуется подбирать праймеры, T_m которых находится в пределах 62-70°C. В случае если T_m пары праймеров лежит в области 62-65°C, рекомендуется пользоваться простым равенством для определения стартовой температуры отжига/элонгирования – (72°+ T_m праймера с минимальным значением)/2.

Если T_m праймеров (обоих) > 65°C , то рекомендованная совмещенная температура отжига/элонгирования будет находиться в интервале 70-72°C.

Для определения наиболее эффективной Т отжига/элонгирования рекомендуется провести амплификацию в градиенте – это позволит сократить время оптимизации ПЦР.